

REPLACEMENT

No: 1 10 20 30 40 50
a) AQSVPYGVVSQIKAPALHSQGYTGSNVKVAVIDSGIDSSHPDLKVAGGASM
b) AQSVPWGISRVQAPAAHNRGLTGSGVKVAVLDTGI*STHPDLNIRGGASF

No: 60 70 80 90 100
a) VPSETNPFQDNNSHGTHVAGTVAALNNSIGVLGVAPSASLYAVKVLGADG
b) VPGEPT*QDGNHGHGTHVAGTVAALNNSIGVIGVAPSADLYAVKVLGANG

No: 110 120 130 140 150
a) SGQYSWIINGIEWAIANNMDVINMSLGGPSGSAALKA AVDKAVASGVVVV
b) RGSVSGIAQGLEWAAANNMHIANMSLGSDAPSTTLERAVNYATSQGV LVI

No: 160 170 180 190 200
a) AAAGNEGTSGSSSTVGYPGKYPSVIAVGAVDSSNQRAFSSVGP ELDVMA
b) AATGNNG*SGS***VGYPARYANAMAVGATDQNNRRANFSQYGTG IDIVA

No: 210 220 230 240 250
a) PGVSIQSTLPGNKYGAYNGTSMASPHVAGAAALILSKHPNWTNTQVR SSL
b) PGVDIESTYPGSSYDSLSGTSMATPHVAGVAALVKQKNPSWSNVQIR NHL

No: 260 270 275
a) ENT TTKLGDSFY YGKGLINVQAAAQ
b) KNTATSLGSTNLYGSGLVNAEAATR

Figure 1